

1/14

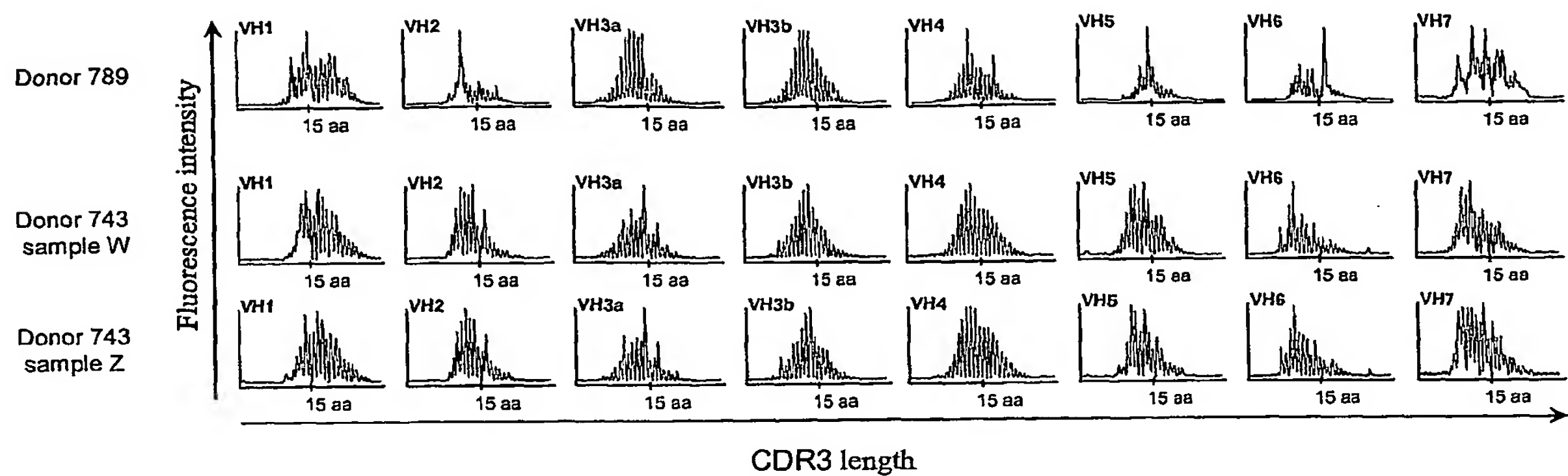


Figure 1A

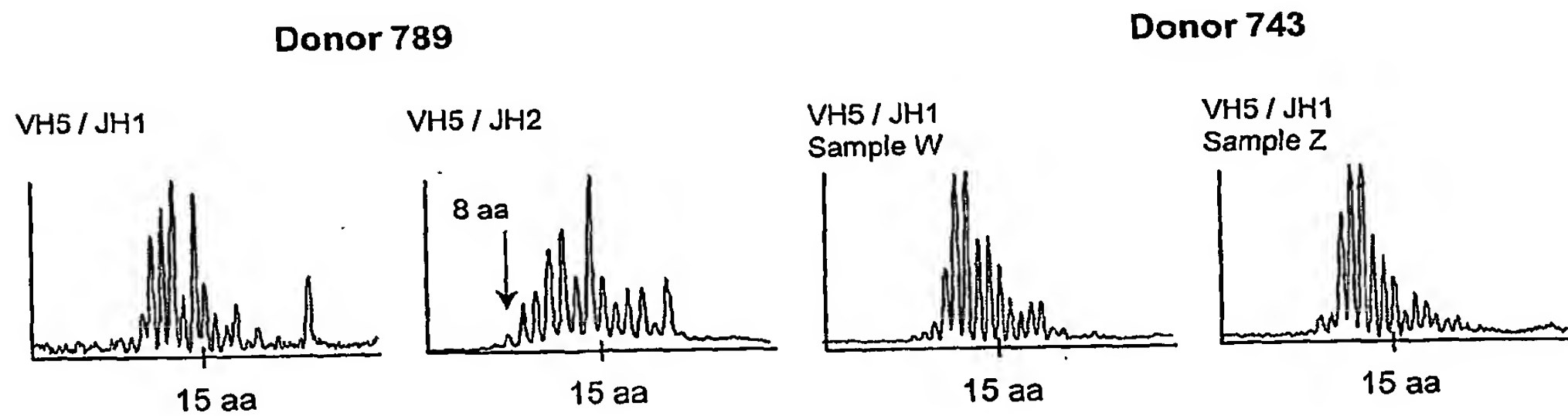


Figure 1B

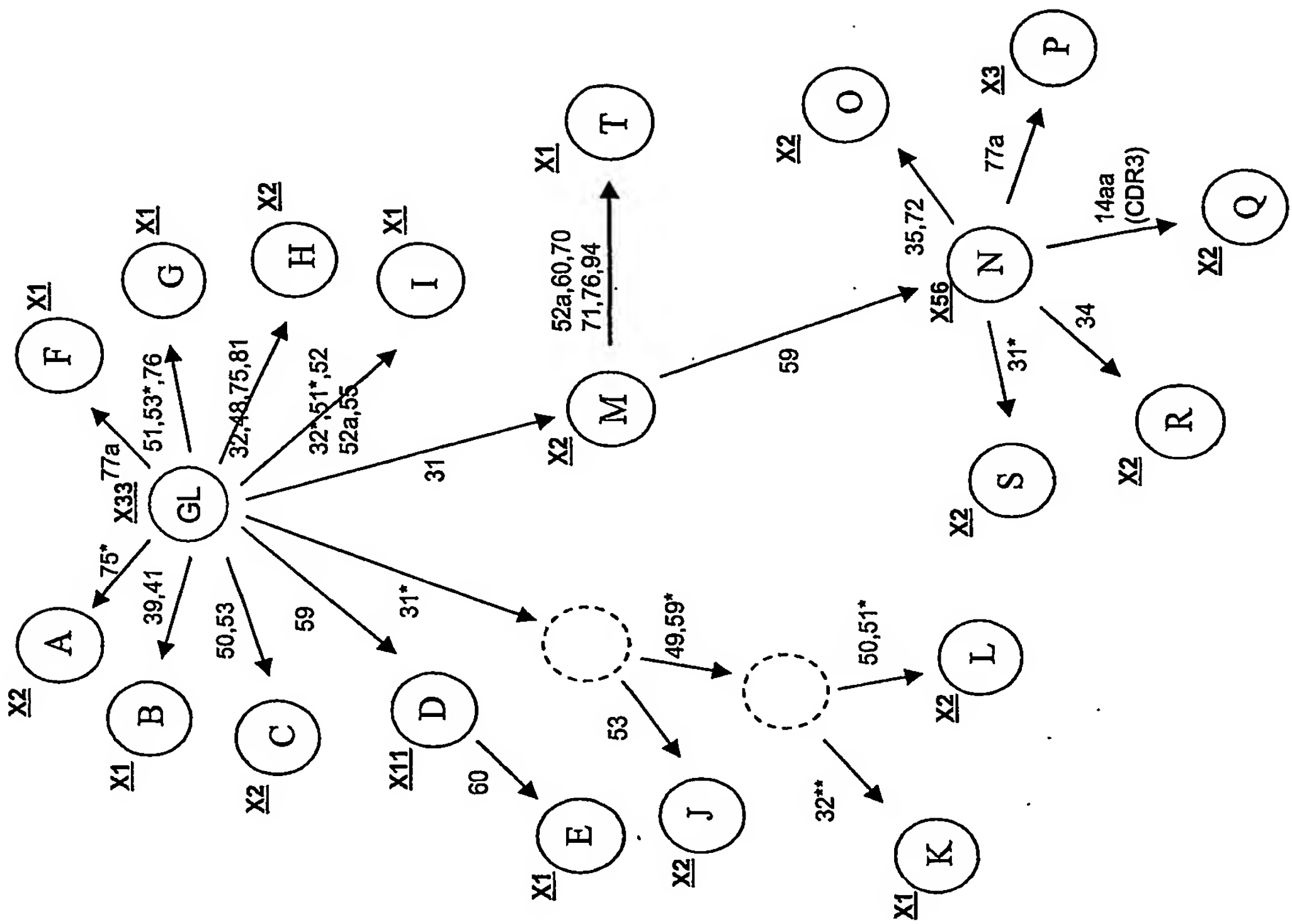


Figure 2B

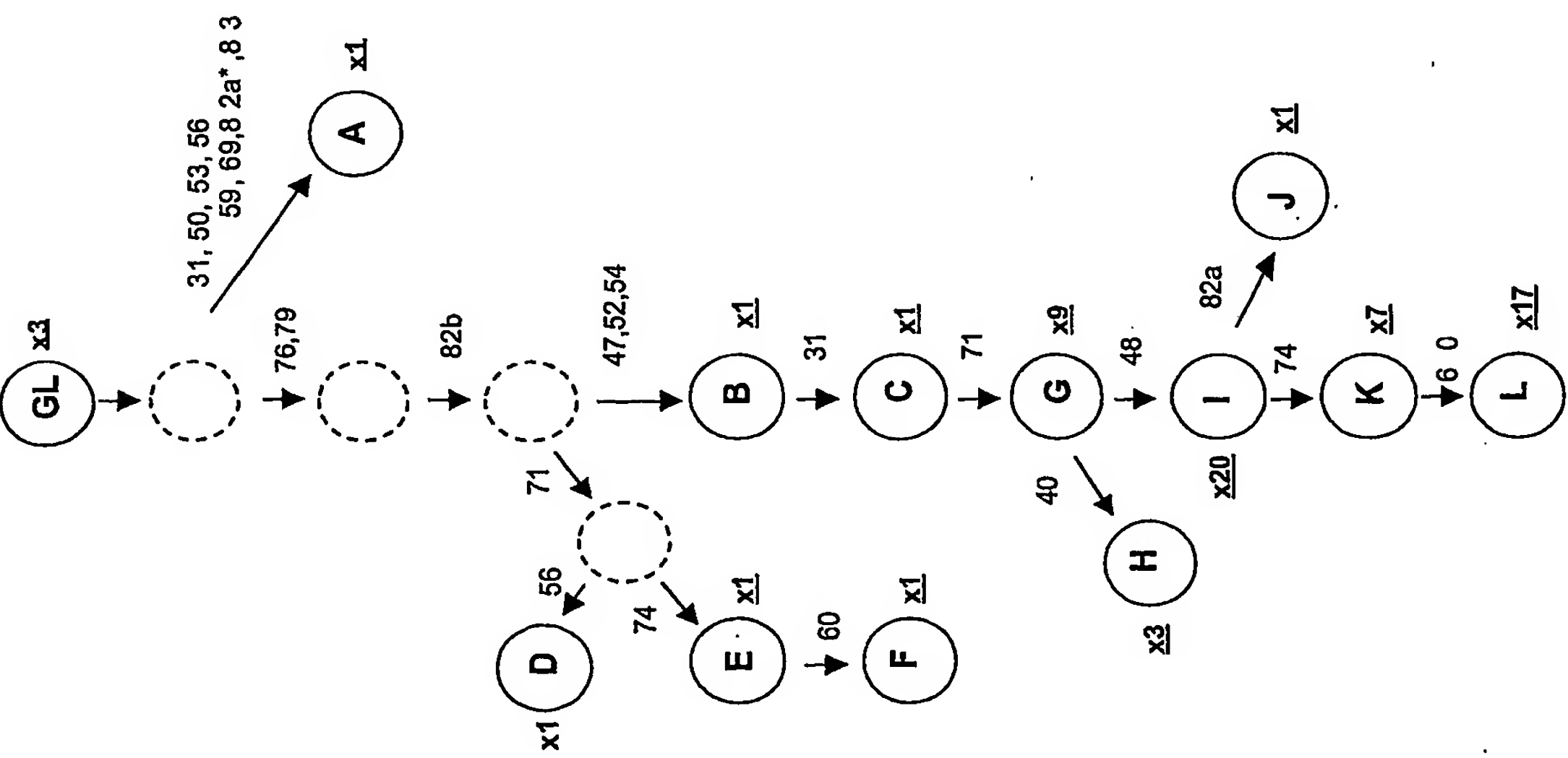


Figure 2A

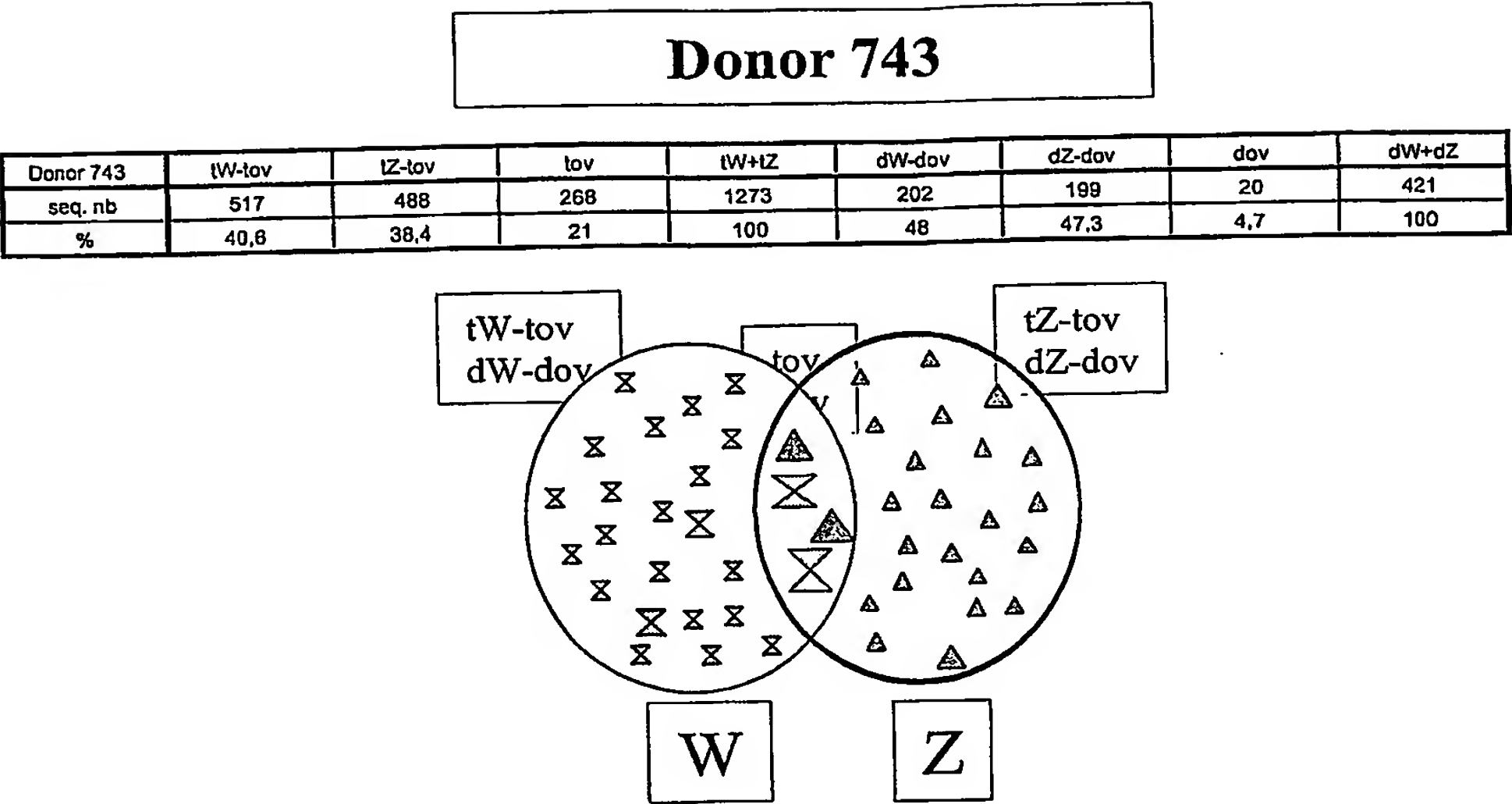


Figure 3A

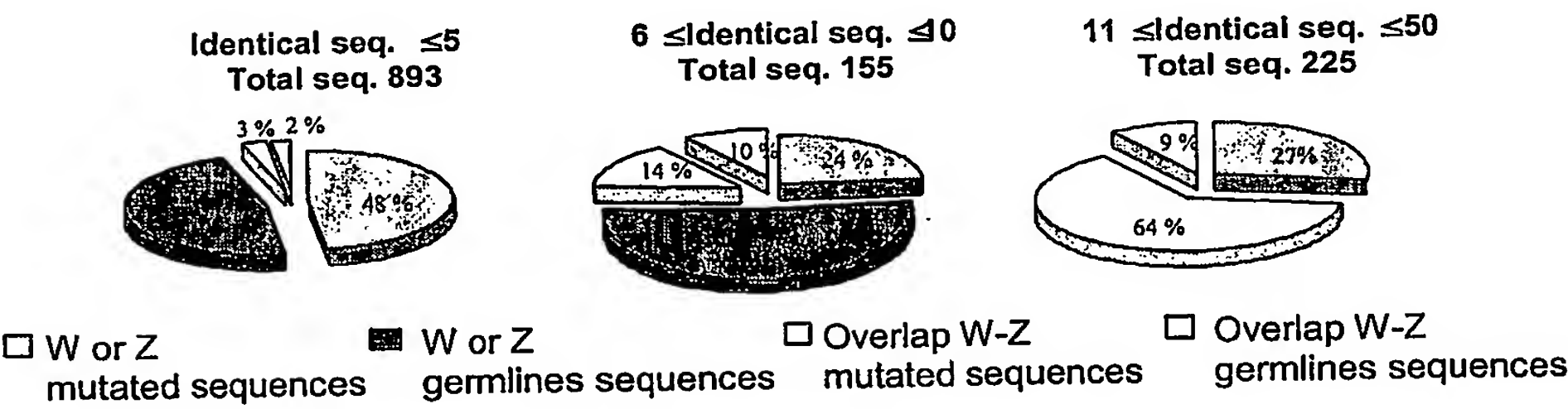


Figure 3B

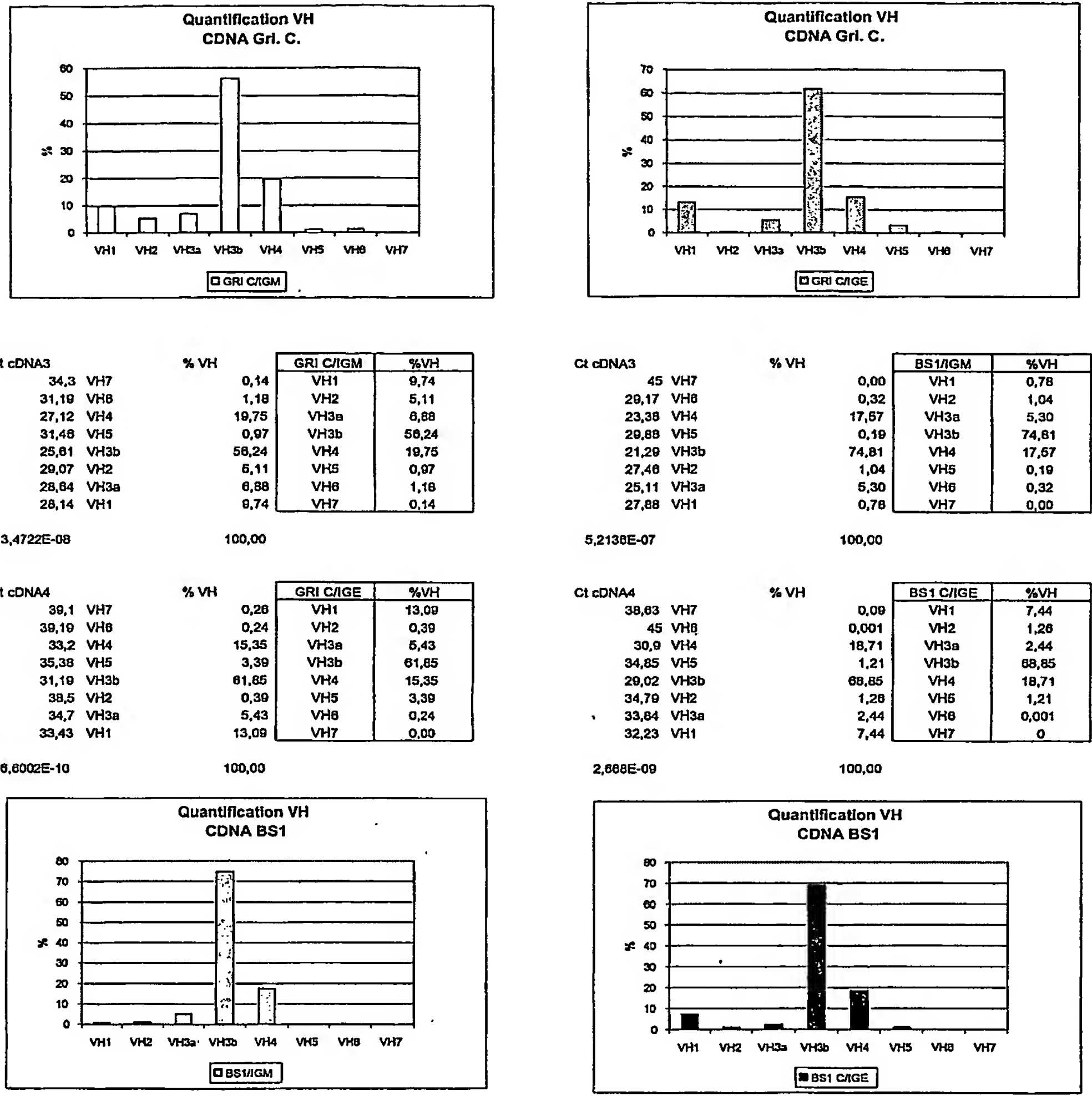
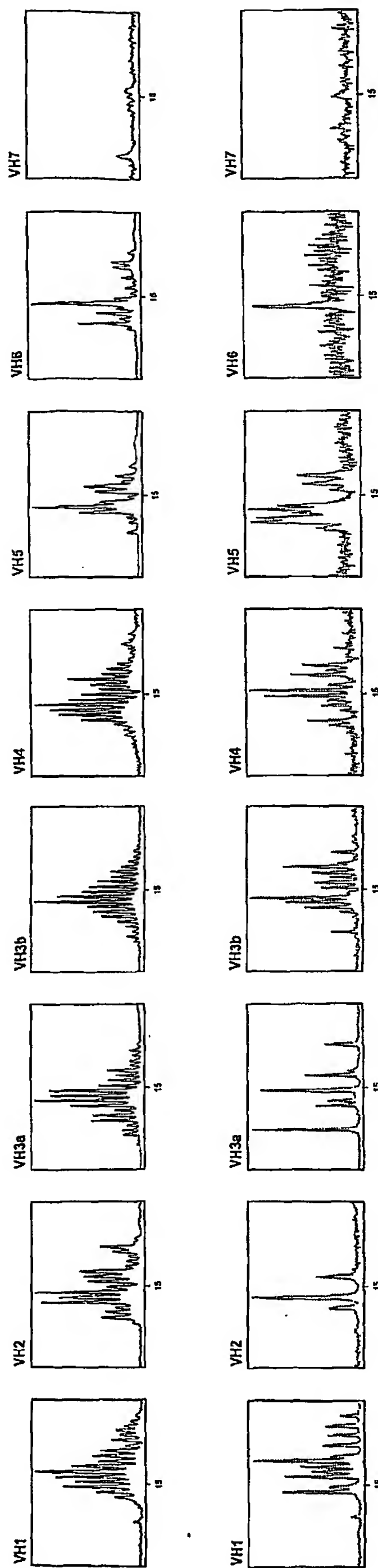


Figure 4

**Gri. C.**

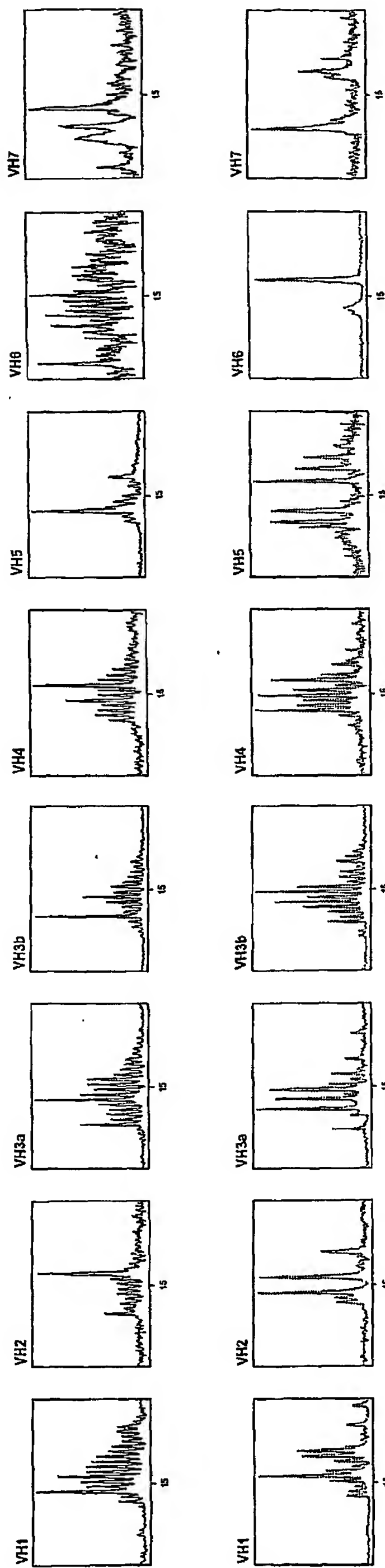
**IgM**



**IgE**

**BS1**

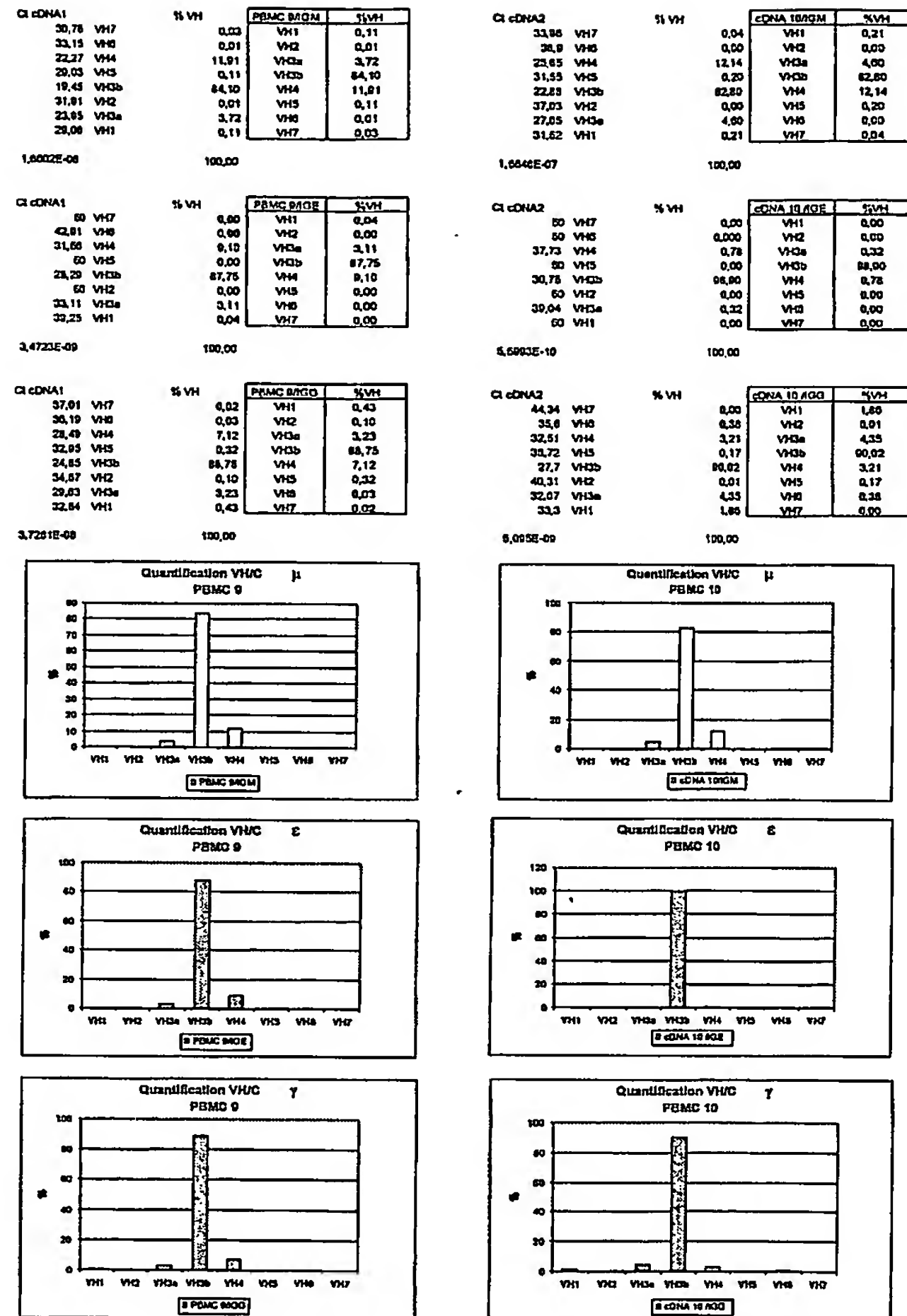
**IgM**



**IgE**

Figure 5

	1									100
{a112_b10_039}	-----	-----	-----	-----	a-----	c-----	a-----	-----	tag-g-----	-----
{a112_g05_018}	-----	-----	-----	-----	a-----	c-----	a-----	-----	tag-g-----	-----g
{a112_a05_024}	-----	-----	-----	-----	a-----	c-----	a-----	-----	tag-g-----	-----
{a112_f08_027}	-----	-----	-----	-----	a-----	c-----	a-----	-----	t-g-g-----	-----
{a112_h05_017}	-----	-----	-----	-----	a-----	c-----	a-----	-----	t-g-g-----	-----
{a112_f10_035}	-----	-----	-----	-----	a-----	c-----	a-----	-----	t-g-g-----	-----
{a112_d12_045}	-----	-----	-----	-----	a-----	c-----	a-----	-----	t-g-g-----	-----
{a112_f01_003}	-----	-----	-----	-----	a-----	c-----	a-----	-----	t-g-g-----	-----
{a112_c01_006}	-----	-----	-----	-----	a-----	c-----	a-----	-----	t-g-g-----	-----
{a112_d07_029}	-----	-----	-----	-----	a-----	c-----	a-----	-----	t-g-g-----	-----
{a112_a07_032}	-----	-----	-----	-----	a-----	c-----	a-----	-----	t-g-g-----	-----
{a112_b07_031}	-----	-----	-----	-----	a-----	c-----	a-----	-----	t-g-g-----	-----
{a112_d05_021}	-----	-----	-----	-----	a-----	c-----	a-----	-----	t-g-g-----	-----
{a112_a09_040}	-----	-----	-----	-----	a-----	c-----	a-----	-----	t-g-g-----	-----
{a112_f06_019}	-----	-----	-----	-----	a-----	c-----	a-----	-----	t-g-g-----	-----
{a112_g03_010}	-----	-----	-----	-----	a-----	c-----	a-----	-----	t-g-g-----	-----
{a112_h09_033}	-----	-----	-----	-----	a-----	c-----	a-----	-----	t-g-g-----	-----
{a112_f05_019}	-----	-----	-----	-----	a-----	c-----	a-----	-----	t-g-g-----	-----
{a112_e02_004}	-----	-----	-----	-----	a-----	c-----	a-----	-----	t-g-g-----	-----
{a112_g01_002}	-----	-----	-----	-----	a-----	c-----	a-----	-----	t-g-g-----	-----
germline IGHG1	-----	-----	-----	-----	a-----	c-----	a-----	-----	t-g-g-----	-----
{a112_b02_007}	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	t-g-g-----	-----
germline IGHG3	--t-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	t-g-g-----	-----
{a112_h07_025}	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
{a112_h01_001}	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
{a112_f03_011}	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
{a112_g06_018}	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
{a112_c06_022}	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
{a112_d06_021}	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
{a112_b01_007}	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
{a112_h12_041}	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
{a112_g02_002}	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
{a112_a02_008}	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----
germline IGHG2	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	c-----	-----
{a112_e01_004}	--t-----	-----	c-----	-----	-----	-----	-----	-----	c-----	-----
{a112_a08_032}	--t-----	-----	c-----	-----	-----	-----	-----	-----	c-----	-----
{a112_c12_046}	--t-----	-----	c-----	-----	-----	-----	-----	-----	c-----	-----
{a112_f09_035}	--t-----	-----	c-----	-----	-----	-----	-----	-----	c-----	-----
{a112_c04_014}	c-t-----	-----	c-----	-----	-----	-----	-----	-----	c-----	-----
{a112_g08_026}	--t-----	-----	c-----	-----	-----	-----	-----	-----	c-----	-----
{a112_c02_006}	--t-----	-----	c-----	-----	-----	-----	-----	-----	c-----	-----
{a112_d08_029}	--t-----	-----	c-----	-----	-----	-----	-----	-----	c-----	-----
{a112_e06_020}	--t-----	-----	c-----	-----	-----	-----	-----	-----	c-----	-----
{a112_a06_024}	--t-----	-----	c-----	-----	-----	-----	-----	-----	c-----	-----
{a112_c09_038}	c-t-----	-----	c-----	-----	-----	-----	-----	-----	c-----	-----
{a112_g10_034}	--t-----	-----	c-----	-----	-----	-----	-----	-----	c-----	-----
{a112_e03_012}	--t-----	-----	c-----	-----	-----	-----	-----	-----	c-----	-----
{a112_f07_027}	--t-----	-----	c-----	-----	-----	-----	-----	-----	c-----	-----
{a112_g12_042}	--t-----	-----	c-----	-----	-----	-----	-----	-----	c-----	-----
germline IGHG4	--t-----	-----	c-----	-----	-----	-----	-----	-----	c-----	-----
Consensus	GCCTCCACCA	AGGGCCCCATC	GGTCTTCCCC	CTGGCGCCCT	GCTCCAGGAG	CACCTCOGAG	AGC ACAGCGG	CCCTGGGCTG	CCTGGTCAAG	GACTACTTCC



Cl cDNA1			cDNA9/IGM		cDNA9/IGE		cDNA9/IGG	
		% VH		%VH		%VH		%VH
30,75	VH7	0,03	VH1	0,11	VH1	0,00	VH1	0,0
33,15	VH8	0,01	VH2	0,01	VH2	0,00	VH2	0,0
22,27	VH4	11,82	VH3a	3,63	VH3a	0,01	VH3a	0,1
29,03	VH5	0,11	VH3b	82,09	VH3b	0,18	VH3b	1,9
19,45	VH3b	82,09	VH4	11,82	VH4	0,02	VH4	0,2
31,91	VH2	0,01	VH5	0,11	VH5	0,00	VH5	0,0
23,95	VH3a	3,63	VH8	0,01	VH8	0,00	VH8	0,0
29,08	VH1	0,11	VH7	0,03	VH7	0,00	VH7	0,0
50	VH7	5,2E-08	cDNA9/IGE		cDNA9/IGG			
42,01	VH8	7,1E-08	VH1	0,00	VH1	0,0	VH1	0,0
31,58	VH4	1,9E-02	VH2	0,00	VH2	0,0	VH2	0,0
50	VH5	5,2E-08	VH3a	0,01	VH3a	0,1	VH3a	0,1
28,29	VH3b	1,8E-01	VH3b	0,18	VH3b	0,34	VH3b	2,83
50	VH2	5,2E-08	VH4	0,02	VH4	0,00	VH4	0,10
33,11	VH3a	6,3E-03	VH5	0,00	VH5	0,00	VH5	0,01
39,26	VH1	9,0E-05	VH8	0,00	VH8	0,00	VH8	0,01
37,01	VH7	4,2E-04	VH7	0,00	VH7	0,00	VH7	0,00
38,19	VH8	7,5E-04	cDNA9/IGG					
28,49	VH4	1,8E-01	VH1	0,0	VH1	0,08	VH1	0,08
32,95	VH5	7,1E-03	VH2	0,0	VH2	0,00	VH2	0,00
24,85	VH3b	1,8E+00	VH3a	0,1	VH3a	0,14	VH3a	0,14
34,87	VH2	2,2E-03	VH3b	1,9	VH3b	2,83	VH3b	2,83
29,83	VH3a	7,1E-02	VH4	0,2	VH4	0,10	VH4	0,10
32,54	VH1	9,4E-03	VH5	0,0	VH5	0,01	VH5	0,01
			VH8	0,0	VH8	0,01	VH8	0,01
			VH7	0,0	VH7	0,00	VH7	0,00
1,7009E-08			cDNA10/IGM		cDNA10/IGE		cDNA10/IGG	
		% VH		%VH		%VH		%VH
33,68	VH7	0,04	VH1	0,20	VH1	0,00	VH1	0,06
38,9	VH8	0,00	VH2	0,00	VH2	0,00	VH2	0,00
25,65	VH4	11,72	VH3a	4,44	VH3a	0,00	VH3a	0,14
31,55	VH5	0,20	VH3b	79,91	VH3b	0,34	VH3b	2,83
22,88	VH3b	79,91	VH4	11,72	VH4	0,00	VH4	0,10
37,03	VH2	0,00	VH5	0,20	VH5	0,00	VH5	0,01
27,05	VH3a	4,44	VH8	0,00	VH8	0,00	VH8	0,01
31,52	VH1	0,20	VH7	0,04	VH7	0,00	VH7	0,00
50	VH7	5,48E-07	cDNA10/IGE		cDNA10/IGG			
50	VH8	5,48E-07	VH1	0,00	VH1	0,08	VH1	0,08
37,73	VH4	2,71E-03	VH2	0,00	VH2	0,00	VH2	0,00
50	VH5	5,48E-07	VH3a	0,00	VH3a	0,14	VH3a	0,14
30,75	VH3b	3,42E-01	VH3b	0,34	VH3b	2,83	VH3b	2,83
50	VH2	5,48E-07	VH4	0,00	VH4	0,00	VH4	0,10
39,04	VH3a	1,00E-03	VH5	0,00	VH5	0,00	VH5	0,01
50	VH1	5,48E-07	VH8	0,00	VH8	0,00	VH8	0,01
44,34	VH7	2,77E-05	VH7	0,00	VH7	0,00	VH7	0,00
35,8	VH8	1,18E-02	cDNA10/IGG					
32,51	VH4	1,01E-01	VH1	0,08	VH1	0,08	VH1	0,08
39,72	VH5	5,45E-03	VH2	0,00	VH2	0,00	VH2	0,00
27,7	VH3b	2,83E+00	VH3a	0,14	VH3a	0,14	VH3a	0,14
40,31	VH2	4,53E-04	VH3b	2,83	VH3b	2,83	VH3b	2,83
32,07	VH3a	1,37E-01	VH4	0,10	VH4	0,10	VH4	0,10
33,3	VH1	5,83E-02	VH5	0,01	VH5	0,01	VH5	0,01
			VH8	0,01	VH8	0,01	VH8	0,01
			VH7	0,00	VH7	0,00	VH7	0,00
1,8211E-07			cDNA10/IGG					
		% VH		%VH		%VH		%VH
			VH1	0,08	VH1	0,08	VH1	0,08
			VH2	0,00	VH2	0,00	VH2	0,00
			VH3a	0,14	VH3a	0,14	VH3a	0,14
			VH3b	2,83	VH3b	2,83	VH3b	2,83
			VH4	0,10	VH4	0,10	VH4	0,10
			VH5	0,01	VH5	0,01	VH5	0,01
			VH8	0,01	VH8	0,01	VH8	0,01
			VH7	0,00	VH7	0,00	VH7	0,00

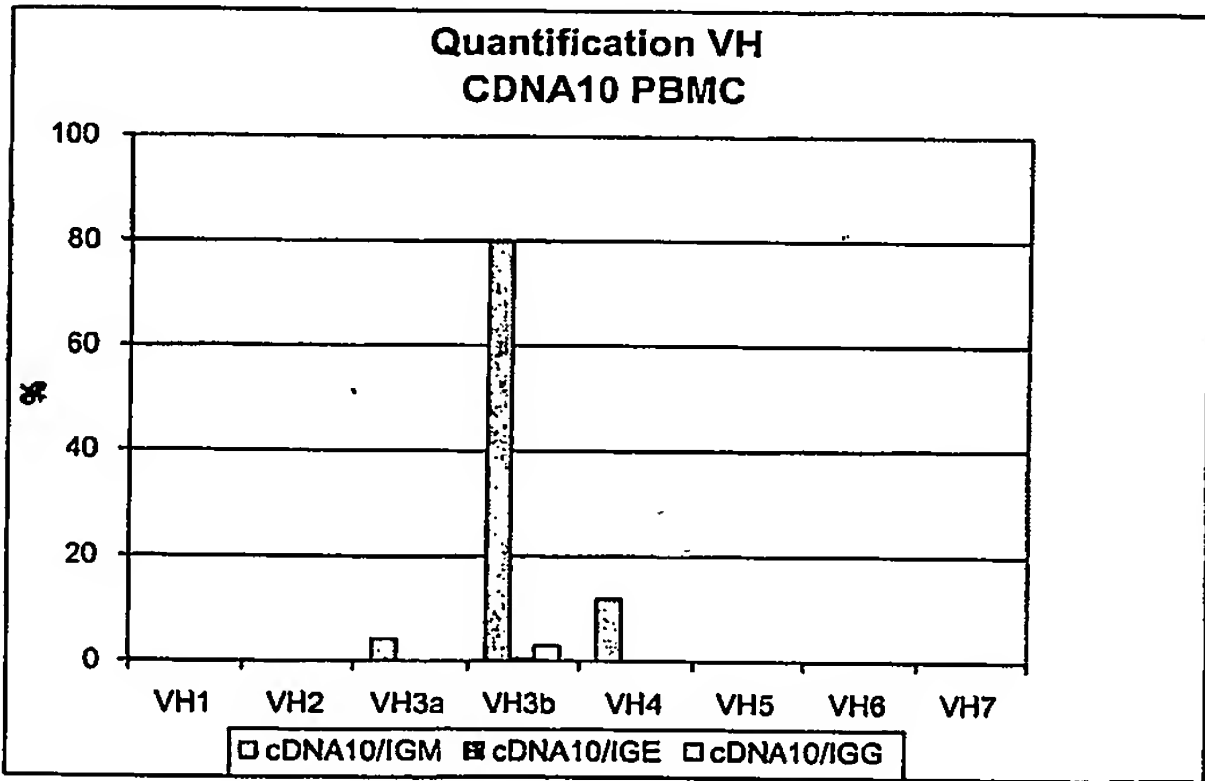
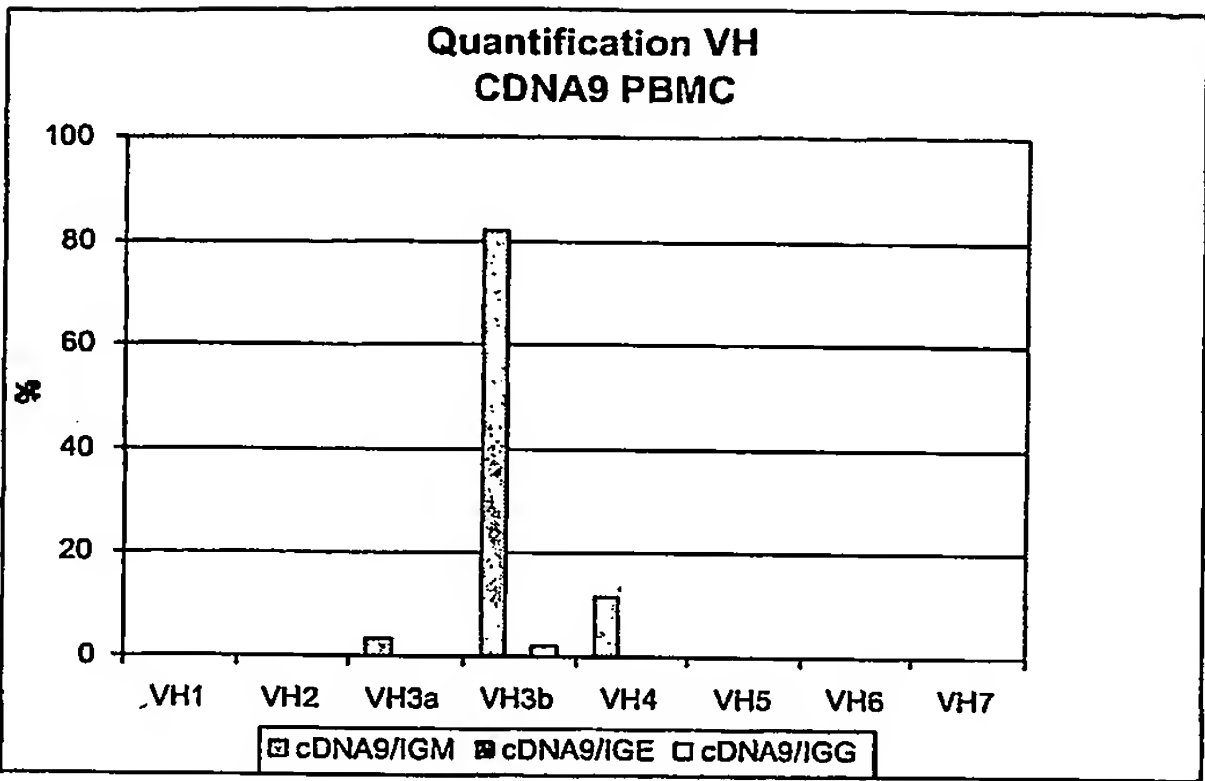


Figure 8





Figure 9

10/14

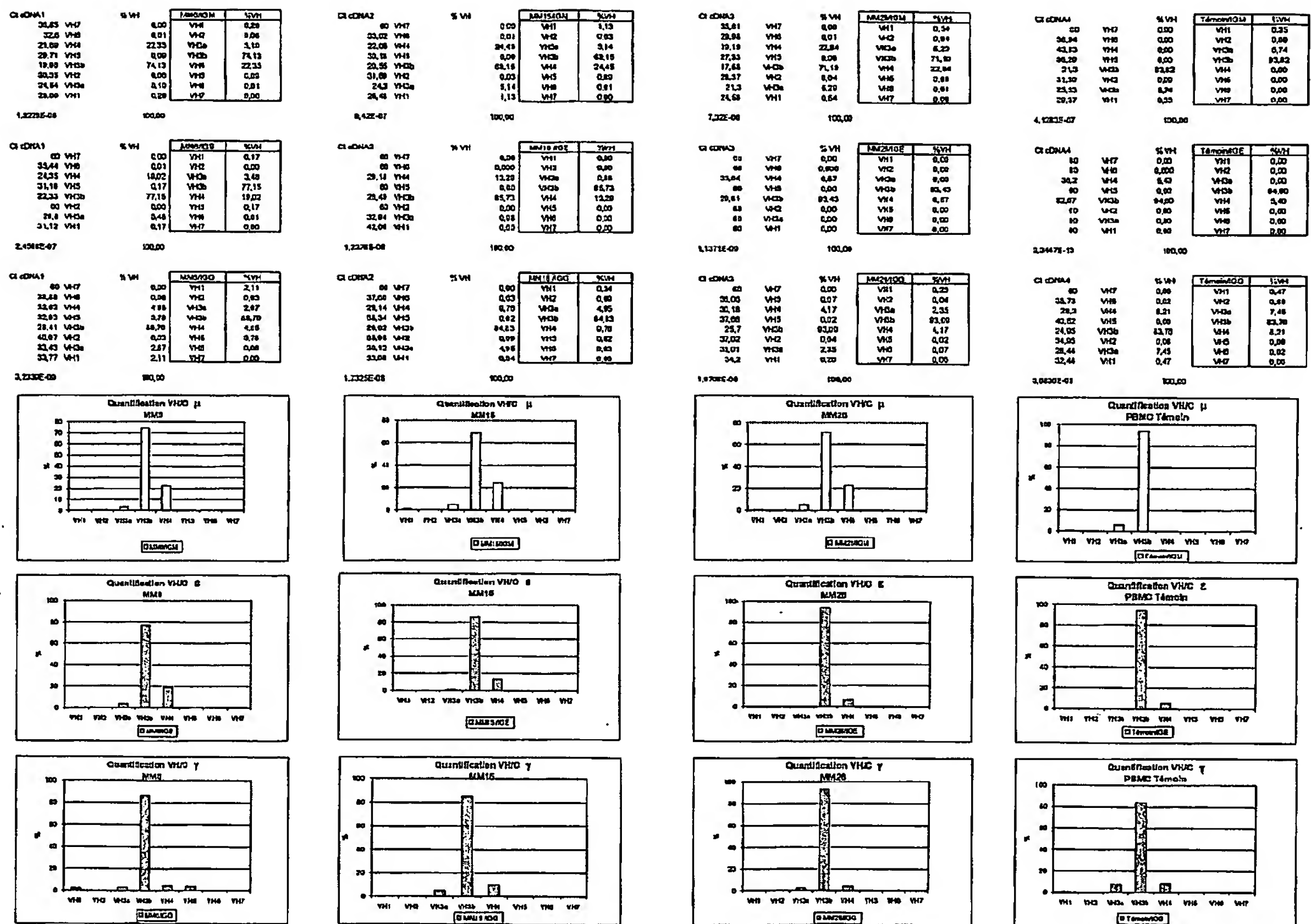


Figure 10

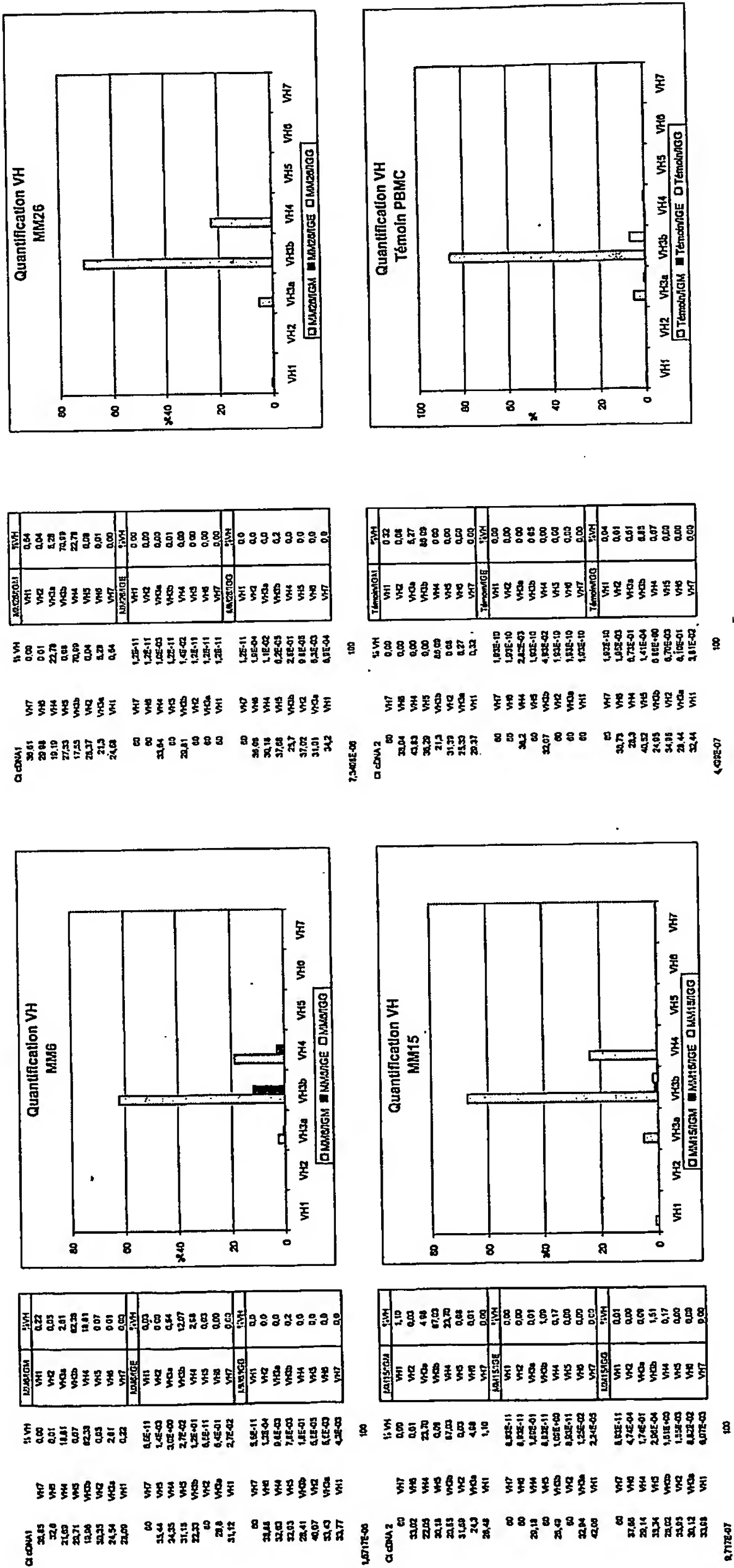


Figure 11

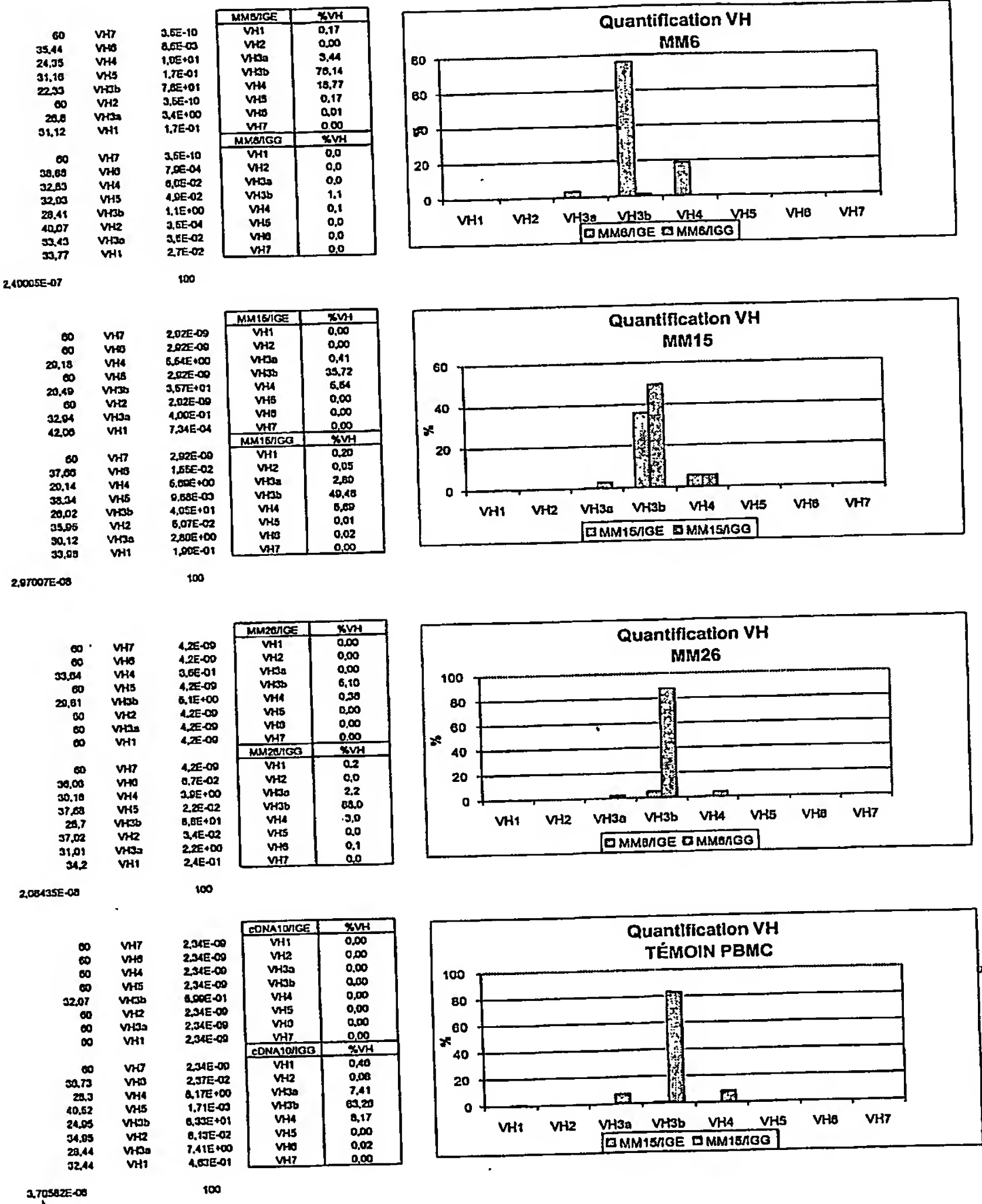


Figure 12

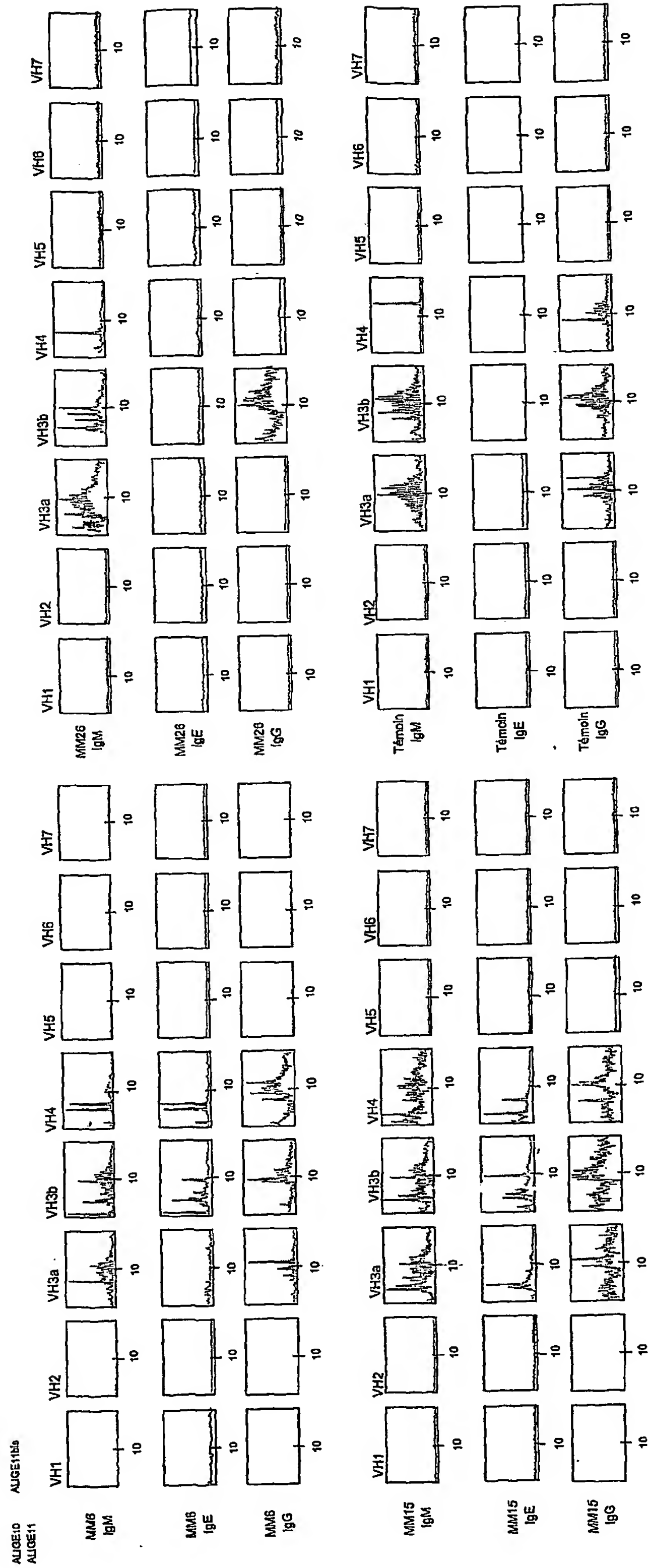
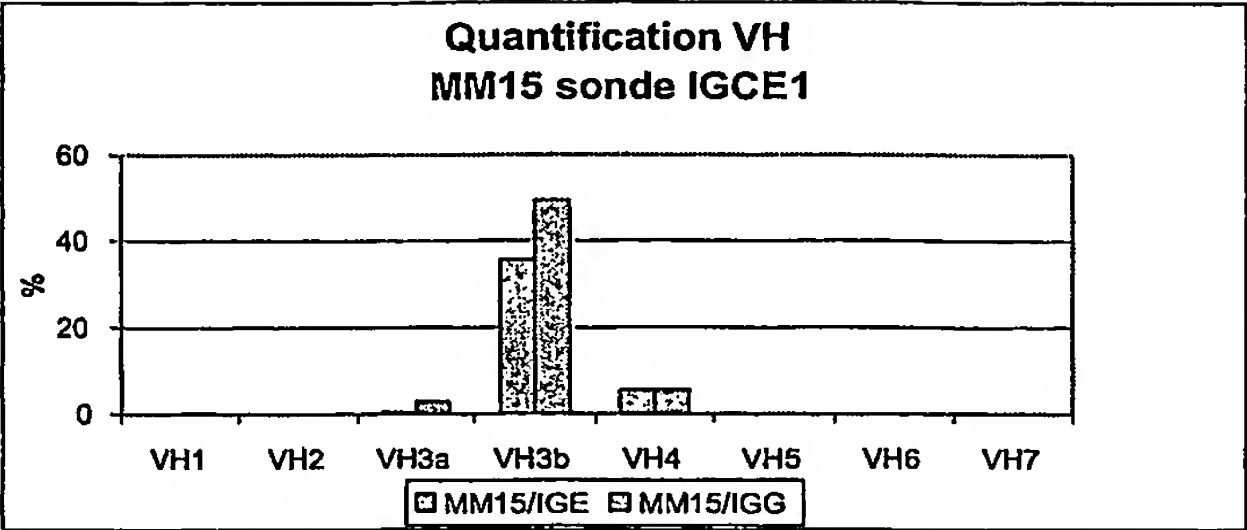


Figure 13

IGE12

60	VH7	2,9E-09
60	VH6	2,9E-09
29,18	VH4	5,5E+00
60	VH5	2,9E-09
28,49	VH3b	3,6E+01
60	VH2	2,9E-09
32,94	VH3a	4,1E-01
42,08	VH1	7,3E-04
60	VH7	2,9E-09
37,66	VH6	1,6E-02
29,14	VH4	5,7E+00
38,34	VH5	9,7E-03
26,02	VH3b	4,9E+01
35,95	VH2	5,1E-02
30,12	VH3a	2,9E+00
33,98	VH1	2,0E-01

MM15/IGE	%VH
VH1	0,00
VH2	0,00
VH3a	0,41
VH3b	35,72
VH4	5,54
VH5	0,00
VH6	0,00
VH7	0,00
MM15/IGG	%VH
VH1	0,2
VH2	0,1
VH3a	2,9
VH3b	49,5
VH4	5,7
VH5	0,0
VH6	0,0
VH7	0,0



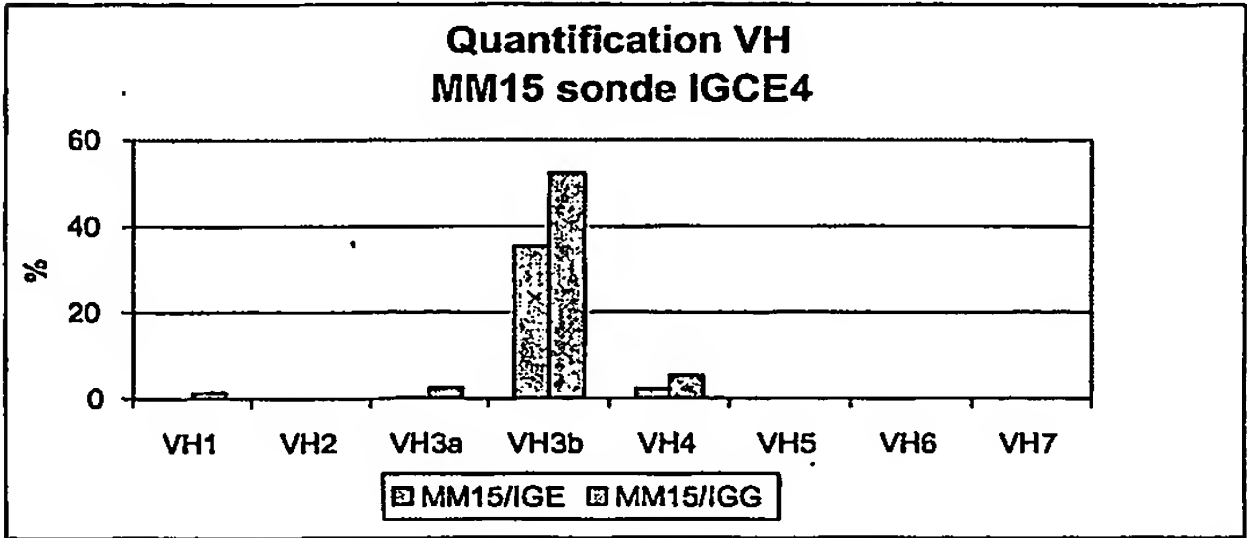
2,97007E-08

100

IGE11

60	VH7	1,61E-09
60	VH6	1,61E-09
29,56	VH4	2,35E+00
40,25	VH5	1,42E-03
25,64	VH3b	3,55E+01
60	VH2	1,61E-09
33,62	VH3a	1,41E-01
35,23	VH1	4,61E-02
60	VH7	1,61E-09
35,22	VH6	4,64E-02
28,35	VH4	5,43E+00
38,9	VH5	1,45E-02
25,08	VH3b	5,24E+01
38,4	VH2	2,05E-02
29,41	VH3a	2,60E+00
30,28	VH1	1,44E+00

MM15/IGE	%VH
VH1	0,05
VH2	0,00
VH3a	0,14
VH3b	35,53
VH4	2,35
VH5	0,00
VH6	0,00
VH7	0,00
MM15/IGG	%VH
VH1	1,44
VH2	0,02
VH3a	2,60
VH3b	52,38
VH4	5,43
VH5	0,01
VH6	0,05
VH7	0,00



5,38302E-08

100

Figure 14